



Directeur d'unité
Angela Taddei
Directeur adjoint d'unité
Nathalie Dostatni



Les équipes de cette unité s'intéressent aux relations entre information génétique et épigénétique au cours du développement, lors de la mise en place des destins cellulaires propres à chaque lignée de l'organisme. Il s'agit aussi de comprendre comment ces informations sont altérées en contexte pathologique comme le cancer.

Pour ce faire, des modèles expérimentaux de choix, (drosophile, xénope, souris, levure) et lignées cellulaires (humaines, rongeurs...) sont exploités. Nos objectifs visent à comprendre comment la réplication de l'ADN et sa réparation, ainsi que la transcription et la répression de l'expression des gènes, sont modulés au cours du développement, de la division cellulaire et en réponse à des stress génotoxiques et environnementaux.

Les thèmes de recherche principaux comprennent:

- Les facteurs clefs dans la dynamique de la chromatine, la stabilité du génome et sa réparation
- Les domaines fonctionnels des génomes eucaryotes, leur mise en place et leur maintien au cours du développement

- La plasticité épigénétique et son rôle dans le contrôle de la polarité de l'embryon

La compartimentation et la dynamique du noyau et son rôle pour réguler différentes fonctions du génome.

Publications clés

Année de publication : 2016

Sebastian Müller, Geneviève Almouzni (2016 Dec 1)

Chromatin dynamics during the cell cycle at centromeres.

Nature Reviews Genetics : 192-208 : [DOI : 10.1038/nrg.2016.157](https://doi.org/10.1038/nrg.2016.157)

Christèle Maison, Delphine Bailly, Jean-Pierre Quivy, Geneviève Almouzni (2016 Jul 19)

The methyltransferase Suv39h1 links the SUMO pathway to HP1 α marking at pericentric heterochromatin.

Nature communications : 12224 : [DOI : 10.1038/ncomms12224](https://doi.org/10.1038/ncomms12224)

Lisa Prendergast, Sebastian Müller, Yiwei Liu, Hongda Huang, Florent Dingli, Damaris Loew, Isabelle Vassias, Dinshaw J Patel, Kevin F Sullivan, Geneviève Almouzni (2016 Jun 11)

The CENP-T/-W complex is a binding partner of the histone chaperone FACT.

Genes & development : 1313-26 : [DOI : 10.1101/gad.275073.115](https://doi.org/10.1101/gad.275073.115)

A Coulon, D R Larson (2016 Jun 1)

Fluctuation Analysis: Dissecting Transcriptional Kinetics with Signal Theory.

Methods in enzymology : 159-91 : [DOI : 10.1016/bs.mie.2016.03.017](https://doi.org/10.1016/bs.mie.2016.03.017)

Année de publication : 2015

Tineke L Lenstra, Antoine Coulon, Carson C Chow, Daniel R Larson (2015 Nov 10)

Single-Molecule Imaging Reveals a Switch between Spurious and Functional ncRNA Transcription.

Molecular cell : 597-610 : [DOI : 10.1016/j.molcel.2015.09.028](https://doi.org/10.1016/j.molcel.2015.09.028)

Micol Guidi, Myriam Ruault, Martial Marbouty, Isabelle Loïodice, Axel Cournac, Cyrille Billaudeau, Antoine Hocher, Julien Mozziconacci, Romain Koszul, Angela Taddei (2015 Apr 2)

Spatial reorganization of telomeres in long-lived quiescent cells.

Genome biology : 206 : [DOI : 10.1186/s13059-015-0766-2](https://doi.org/10.1186/s13059-015-0766-2)